

Документ подписан простой электронной подписью
Информация о владельце:

ФИО: Лужанин Владимир Геннадьевич

Должность: Ректор

Дата подписания: 20.01.2026 17:52:08

Уникальный программный ключ: «Пермская государственная фармацевтическая академия»
d56ba45a9b6e5c64a319e2c5ae3bb30dd840af0
Министерства здравоохранения Российской Федерации

МИНИСТЕРСТВО ЗДРАВООХРАНЕНИЯ РОССИЙСКОЙ ФЕДЕРАЦИИ
Федеральное государственное бюджетное образовательное учреждение высшего образования
«Пермская государственная фармацевтическая академия»
Министерства здравоохранения Российской Федерации

Кафедра фармацевтической химии

УТВЕРЖДЕНА
решением кафедры
Протокол от «05 июня 2025 г. № 9

РАБОЧАЯ ПРОГРАММА ДИСЦИПЛИНЫ

Б1.О.29 Молекулярный дизайн биологически активных соединений
(индекс, наименование дисциплины (модуля), в соответствии с учебным планом)

Б1.О.29. МДБАС
(индекс, краткое наименование дисциплины)

18.03.01 Химическая технология
(код, наименование направления подготовки (специальности))

Химическая технология лекарственных средств
(направленность(и) (профиль (и)/специализация(ии))

Бакалавр
(квалификация)

Очная
(форма(ы) обучения)

Год набора - 2026

Пермь, 2025 г.

Авторы–составители:

Профессор кафедры фармацевтической химии д-р фармацевт. наук, доцент К.В. Андрюков

Заведующий кафедрой фармацевтической химии докт.хим.наук Т.М. Замараева

Согласовано Центральным методическим советом ФГБОУ ВО ПГФА Минздрава России
протокол от 05.12.2025 г. № 2.

СОДЕРЖАНИЕ

1.	Перечень планируемых результатов обучения по дисциплине, соотнесенных с планируемыми результатами освоения образовательной программы.....	4
2.	Объем и место дисциплины в структуре ОПОП.....	5
3.	Содержание и структура дисциплины.....	6
4.	Фонд оценочных средств по дисциплине.....	9
5.	Методические материалы для обучающихся по освоению дисциплины.....	15
6.	Учебная литература для обучающихся по дисциплине.....	15
7.	Материально-техническая база, информационные технологии, программное обеспечение и информационные справочные системы.....	15

1. Перечень планируемых результатов обучения по дисциплине, соотнесенных с планируемыми результатами ОПОП ВО

Код компетенции	Наименование компетенции	Код индикатора достижения компетенции	Наименование индикатора достижения компетенции	Результаты обучения, соотнесенные с индикаторами достижения компетенций
ОПК-1	Способен изучать, анализировать, использовать механизмы химических реакций, происходящих в технологических процессах и окружающем мире, основываясь на знаниях о строении вещества, природе химической связи и свойствах различных классов химических элементов, соединений, веществ и материалов	ИДОПК-1.1	Использует знания о строении вещества, природе химической связи для характеристики различных классов химических соединений и их свойств	На уровне умений: <ul style="list-style-type: none"> - Умеет использовать знания о строении вещества для характеристики свойств веществ; - Умеет анализировать и сопоставлять характеристики различных классов химических соединений и их свойств по проблемным темам молекулярного дизайна БАС.
		ИДОПК-1.2	Предлагает интерпретацию различных технологических процессов, основываясь на знании различных классов химических элементов, соединений, веществ и материалов	На уровне знаний: <ul style="list-style-type: none"> - Знает интерпретацию различных технологических процессов моделирования свойств; - Знает, как использовать знания различных классов химических элементов, соединений для интерпретации получения БАС.
		ИДОПК-1.3	Анализирует и использует механизмы химических реакций для объяснения технологических процессов и процессов, происходящих в окружающем мире	На уровне знаний: <ul style="list-style-type: none"> - Знает, как проводить расчеты и моделирование процессов; - Знает, как анализировать и использовать механизмы химических реакций.
		ИДОПК-1.4	Интерпретирует строение вещества на основании физико-химических принципов и закономерностей	На уровне навыков: <ul style="list-style-type: none"> - Умеет проводить интерпретацию строения вещества с использованием физико-химических характеристик; - Умеет выбирать способ интерпретации моделирования БАС.
УК-1	Способен осуществлять поиск, критический анализ и синтез информации, применять системный подход	ИДУК-1.1	Анализирует задачу, выделяя ее базовые составляющие	На уровне умений: <ul style="list-style-type: none"> - Умеет выбирать наиболее адекватные и эффективные современные методики анализа задач исследований;

	для решения поставленных задач		- Умеет анализировать поставленную задачу, проводить испытания и экспериментальные работы, выделяя ее базовые составляющие.
	ИДУК-1.2	Определяет, интерпретирует и ранжирует информацию, требуемую для решения поставленной задачи	На уровне знаний: - Знает правила определения и интерпретации поступающей информации; - Знает требования, которые необходимо предъявлять к полученной информации для решения поставленной задачи.
	ИДУК-1.3	Осуществляет поиск информации для решения, поставленной задачи по различным типам запросов	На уровне знаний: - Знает правила осуществления поиска информации по поставленной задаче; - Знает способы решения поставленной задачи проведением поиска информации.
	ИДУК-1.4	При обработке информации отличает факты от мнений, интерпретаций, оценок, формирует собственные мнения и суждения, аргументирует свои выводы и точку зрения, в том числе с применением философского понятийного аппарата	На уровне навыков: - Умеет применять современные технологии обработки полученной информации, отличать факты от мнений; - Умеет формировать собственное мнение и суждение, аргументировать свои выводы и точку зрения.
	ИДУК-1.5	Рассматривает и предлагает возможные варианты решения поставленной задачи, оценивая их достоинства и недостатки	На уровне навыков: - Умеет рассматривать варианты решения поставленной задачи; - Умеет формировать собственное мнение и суждение и возможные варианты решения поставленной задачи оценивая их достоинства и недостатки.

2. Объем и место дисциплины в структуре ОПОП

Дисциплина Б1.О.29. «Молекулярный дизайн биологически активных соединений» относится к базовой части ОПОП, проводится в 6 семестре 3 курса, общая трудоемкость дисциплины – 108 ч. / 3 з. е.

3. Содержание и структура дисциплины

3.1. Структура дисциплины.

№ п/п	Наименование разделов, тем	Объем дисциплины, час.					Форма текущего контроля успеваемости, промежуточной аттестации					
		Всего часов	Контактная работа обучающихся с преподавателем по видам учебных занятий			СР						
			Л	ЛЗ	ПЗ							
<i>Очная форма обучения</i>												
<i>Семестр № 5</i>												
Раздел 1	Основные направления молекулярного дизайна биологически активных соединений (БАС)	88	12	–	40	0	О					
Тема 1.1	Основные понятия и цели молекулярного дизайна БАС. Подходы к выбору кандидатов в соединения лидеры	8	2	–	4		О					
Тема 1.2	Оценка биологической активности программой PASS online (виртуальный скриптинг)	8	2	–	4		О					
Тема 1.3	Квантово-химические расчёты в моделировании молекул БАС	10	2	–	–		О					
Тема 1.4	Множественный регрессионный анализ в моделировании структур БАС	10	2	–	4		О					
Тема 1.5	Количественные соотношения «структура-свойство». Методы построения моделей и оценка	8	–	–	4		О					
Тема 1.6	Теоретический расчёт констант липофильности и ионизации с использованием компьютерных моделей и программ	8	–	–	4		О					
Тема 1.7	Построение структур БАС с заданными свойствами. Правило Липински	10	2	–	4		О					
Тема 1.8	Молекулярный докинг. Докинг «родного» лиганда по ЦОГ1 и 2 и гидролаза E.Coli(S.Aureus)	10	2	–	4		О					

№ п/п	Наименование разделов, тем	Объем дисциплины, час.					Форма текущего контроля успеваемости, промежуточной аттестации	
		Всего часов	Контактная работа обучающихся с преподавателем по видам учебных занятий			СР		
			Л	ЛЗ	ПЗ			
Тема 1.9	Молекулярный докинг программой AK_QSAR (Молекулярный докинг ЦОГ1 и 2). Анализ результатов докинга	8	—	—	4		О	
Тема 1.10	Молекулярный докинг программой AK_QSAR (Молекулярный докинг гидролаза E.Coli(S.Aureus)). Анализ результатов докинга	8	—	—	4		О	
Раздел 2	Практические аспекты молекулярного дизайна БАС	56	8	—	16	6	О	
Тема 2.1	Модели качественного поиска БАС. Способы создания, оценка и валидация	14	2	—	4		О	
Тема 2.2	Поиск количественных соотношений структура-активность. Методы построения моделей, оценка и валидация	14	2	—	4		О	
Тема 2.3	Способ поиска БАС методом молекулярного докинга (виртуальный скрининг)	14	2	—	2		О	
Тема 2.4	Количественное прогнозирование биологической активности БАС с использованием уравнений множественной регрессии и компьютерных программ. Промежуточная аттестация	16	2	—	6		О Зачёт	
Всего:		108	20	—	52	36		

Примечание:

*Формы текущего контроля успеваемости: опрос (О), тестирование (Т).

3.2. Содержание дисциплины.

Раздел 1. Основные направления молекулярного дизайна биологически активных соединений (БАС). Тема 1.1. Основные понятия и цели молекулярного дизайна БАС. Подходы к выбору кандидатов в соединения лидеры. Понятия и цели молекулярного дизайна БАС. Подходы к выбору кандидатов в соединения лидеры. Основы молекулярного дизайна. Цели молекулярного дизайна.

Классификация направлений молекулярного дизайна. Требования, предъявляемые к соединению лидеру. Основные положения: молекулярный дизайн; направления молекулярного дизайна; фармакологический скрининг; соединение лидер. Тема 1.2. Оценка биологической активности программой PASS online (виртуальный скрининг). Оценка биологической активности БАС программой PASS online. Проведение виртуального скрининга программой PASS. Определение понятия «виртуальный скрининг». Терапевтическая мишень в онлайн сервисе PASS online. Прогноз спектра биологической активности БАС. Основные положения: виртуальный скрининг; терапевтическая мишень; спектр биологической активности; профиль биологической активности. Тема 1.3. Квантово-химические расчёты в моделировании молекул БАС. Компьютерные программы для проведения квантово-химических расчётов. Квантово-химические расчёты в моделировании молекул БАС. Методы квантово-химического расчёта структур. Квантово-химическое моделирование в анализе БАС. Основные положения: геометрия молекулы; термодинамический дескриптор; частичный заряд атома; полуэмпирический метод РМЗ. Тема 1.4. Множественный регрессионный анализ в моделировании структур БАС. Компьютерные программы для проведения множественного регрессионного анализа. Множественный регрессионный анализ в моделировании структур БАС. Регрессионный анализ. Основные положения: регрессионный анализ; множественный регрессионный анализ; коэффициент корреляции; коэффициент множественной регрессии.

Тема 1.5. Количественные соотношения «структура-свойство». Методы построения моделей и оценка. Количественные соотношения «структура-свойство». Методы построения моделей и оценка. Описание структуры с использованием дескрипторов. Способы расчёта структурных дескрипторов. Типы регрессионных зависимостей в исследованиях «структура-свойство». Основные положения: зависимость структура-свойство; структурные дескрипторы; моделирование; множественный регрессионный анализ. Тема 1.6. Теоретический расчёт констант липофильности и ионизации с использованием компьютерных моделей и программ. Компьютерные программы для расчёта констант липофильности и ионизации. Теоретический расчёт констант липофильности и ионизации. Физико-химические дескрипторы. Константа липофильности. Влияние констант липофильности и ионизации на биологическую активность БАС. Основные положения: структурные дескрипторы; константа липофильности; константы ионизации. Тема 1.7. Построение структур БАС с заданными свойствами. Правило Липински. Построение структур БАС с заданными свойствами. Основные положения: структурные дескрипторы; константа липофильности; молекулярная масса; константа кислотности и основности; доноры водородной связи; акцепторы водородной связи. Тема 1.8. Молекулярный докинг. Докинг «родного» лиганда по ЦОГ1 и 2 и гидролаза E.Coli(S.Aureus). Молекулярный докинг. Понятие и определение. Докинг «родного» лиганда по ЦОГ1 и 2. Докинг «родного» лиганда по гидролазе E.Coli(S.Aureus). Основные положения: молекулярный докинг; скоринговые функции; энергия связывания; межмолекулярная энергия.

Тема 1.9. Молекулярный докинг программой AK_QSAR (Молекулярный докинг ЦОГ1 и 2). Анализ результатов докинга. Молекулярный докинг программой AK_QSAR (Молекулярный докинг ЦОГ1 и 2). Анализ результатов докинга. Использование ферментов в молекулярном докинге. Основные положения: молекулярный докинг; скоринговые функции; энергия связывания; межмолекулярная энергия; константа ингибиции. Тема 1.10. Молекулярный докинг программой AK_QSAR (Молекулярный докинг гидролаза E.Coli(S.Aureus)). Анализ результатов докинга. Молекулярный докинг программой AK_QSAR (Молекулярный докинг гидролаза E.Coli(S.Aureus)). Анализ результатов докинга. Основные положения: молекулярный докинг; скоринговые функции; энергия связывания; межмолекулярная энергия; константа ингибиции.

Раздел 2. Практические аспекты молекулярного дизайна БАС. Тема 2.1. Модели качественного поиска БАС. Способы создания, оценка и валидация. Содержание темы: Модели качественного

поиска БАС. Способы создания. Оценка и валидация моделей качественного поиска БАС. Качественный поиск БАС. Основные положения: качественный поиск; фрагментарные дескрипторы; молекулярный докинг; скоринговые функции; биологическая активность. Тема 2.2. Поиск количественных соотношений структура-активность. Методы построения моделей, оценка и валидация. Поиск количественных соотношений структура-активность. Оценка и валидация моделей количественного поиска БАС. Зависимость «структурно-активность». Дескрипторы используемые для описания структуры. Способы расчёта структурных дескрипторов. Типы регрессионных зависимостей в исследованиях «структурно-активность». Основные положения: зависимость структура-активность; биологическая активность; структурные дескрипторы; моделирование; множественный регрессионный анализ. Тема 2.3. Способ поиска БАС методом молекулярного докинга (виртуальный скрининг). Способ поиска БАС методом молекулярного докинга. Использование молекулярного докинга в виртуальном скрининге. Биологическая активность. Виртуальный скрининг. Основные положения: фрагментарные дескрипторы; биологическая активность; молекулярный докинг; скоринговые функции; константы ионизации; константа липофильности. Тема 2.4. Количественное прогнозирование биологической активности БАС с использованием уравнений множественной регрессии и компьютерных программ. Методы количественного прогнозирования биологической активности БАС. Прогнозирование биологической активности БАС с использованием уравнений множественной регрессии и компьютерных программ. Основные положения: фрагментарные дескрипторы; биологическая активность; молекулярный докинг; скоринговые функции; константы ионизации; константа липофильности.

4. Фонд оценочных средств по дисциплине

4.1.1. В ходе реализации дисциплины используется следующая форма текущего контроля успеваемости обучающихся: опрос.

4.1.2. Оценочные средства текущего контроля успеваемости

Опрос (по теме 1.1. Основные понятия и цели молекулярного дизайна БАС)

1. Что лежит в основе молекулярного дизайна?
2. Приведите классификацию направлений молекулярного дизайна.
3. Что такое структурно-ориентированный дизайн?
4. Дайте определение функционально-ориентированного дизайна?
5. Что такое соединение лидер?
6. Дайте определение понятию «молекулярный дизайн БАС».
7. Опишите принцип отбора соединений в ряды.
8. Какие преимущества даёт дизайн БАС с использованием гомологических рядов?
9. Какие вы знаете направления молекулярного дизайна?
10. В чём состоит цель распределения соединений в гомологические ряды?
11. С какой целью проводят исследования оценки влияния изменения заместителей в структуре молекулы?
12. В чём отличие структурно-ориентированного дизайна от функционально-ориентированного дизайна?
13. Как можно использовать функционально-ориентированный дизайн в поиске соединения-лидера?
14. Объясните цели молекулярного дизайна.
15. В чём заключается основной смысл использования соединений-лидеров в поиске БАС?

4.1.3. Шкала оценивания для текущего контроля.

Опрос:

Оценка «отлично» - обучающийся проявляет всестороннее и глубокое знание материала в объёме утвержденной программы дисциплины, дает полные и правильные ответы на вопросы, материал излагает последовательно и грамотно. Демонстрирует осознанный подход к изучению дисциплины, т.е. правильно характеризует структурные свойства, обосновывает предлагаемые методы молекулярного дизайна биологически активных веществ.

Оценка «хорошо» - обучающийся проявляет знание всего изученного программного материала, даёт правильные ответы на вопросы. Материал излагает последовательно и грамотно, обосновывает все положения своего ответа. При ответе допускает небольшие неточности и единичные ошибки, которые оперативно и самостоятельно исправляет при уточняющих вопросах преподавателя.

Оценка «удовлетворительно» - обучающийся проявляет знание основного программного материала, допускает ошибки и неточности при ответе на теоретические вопросы, ошибки исправляет по указанию преподавателя, отвечает на дополнительные заданные вопросы.

Оценка «неудовлетворительно» - обучающийся проявляет незнание основного программного материала, имеет существенные пробелы в изучении отдельных принципиальных вопросов, при ответе на теоретические вопросы допускает существенные ошибки, которые не может исправить даже по указанию преподавателя, на дополнительные вопросы не отвечает.

4.2. Формы и материалы промежуточной аттестации.

4.2.1. Промежуточная аттестация проводится в форме: зачёт.

4.2.2. Оценочные средства для промежуточной аттестации.

Тест:

Вариант 1

№ п/п	Задание	Правильный ответ	Компетенция, индикатор
1.	Молекулярный дизайн БАС это: а. Молекулярный докинг веществ с ферментом б. Прогнозирование констант липофильности с. Конструирование новых химических соединений с заданными свойствами д. Исследование биологической активности	с. Конструирование новых химических соединений с заданными свойствами	ОПК-1, ИДОПК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4 УК-1, ИДУК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4, 1.5
2.	Цель молекулярного дизайна БАС: а. Построение структуры с заданными свойствами б. Поиск ингибиторов ДНК с. Корреляционный анализ д. Квантово-химические расчёты	а. Построение структуры с заданными свойствами	ОПК-1, ИДОПК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4 УК-1, ИДУК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4, 1.5
3.	Структурно-ориентированный дизайн заключается в:	д. Создании множества разнообразных	ОПК-1, ИДОПК-1.1, 1.2,

	a. Проведении квантово-химических расчётов b. Молекулярном докинге c. Исследовании биологической активности d. Создании множества разнообразных новых и экзотических молекулярных структур	новых и экзотических молекулярных структур	1.3, 1.4 УК-1, ИДУК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4, 1.5
4.	Стратегия молекулярного дизайна предполагает: a. Измерение констант ионизации b. Глубокое понимание поставленной задачи, изучение молекулярных механизмов целевой функции вещества c. Изучение гидрофобных фрагментов d. Регрессионный анализ	b. Глубокое понимание поставленной задачи, изучение молекулярных механизмов целевой функции вещества	ОПК-1, ИДОПК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4 УК-1, ИДУК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4, 1.5
5.	К терапевтическим мишениям при дизайне БАС с противовоспалительной активностью относятся: a. Ферменты циклооксигеназа 1 и 2 b. Аналгетическая активность c. Коагуляция молекулы белка d. Ионизированная карбоксильная группа	a. Ферменты циклооксигеназа 1 и 2	ОПК-1, ИДОПК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4 УК-1, ИДУК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4, 1.5
6.	Прогноз спектра биологической активности в онлайн сервисе PASS online используется для: a. Квантово- химических расчётов b. Биологических испытаний БАС c. Построения структур соединений d. Поиска БАС	d. Поиска БАС	ОПК-1, ИДОПК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4 УК-1, ИДУК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4, 1.5
7.	Виртуальный скрининг это: a. Испытание биологической активности b. Теоретический метод отбора перспективных БАС с использованием компьютерных программ c. Построение гомологических рядов БАС d. Способ построения структур БАС	b. Теоретический метод отбора перспективных БАС с использованием компьютерных программ	ОПК-1, ИДОПК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4 УК-1, ИДУК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4, 1.5
8.	Какой из приведенных методов квантово-химического расчёта структур БАС относится к полуэмпирическим: a. Метод Хартри-Фока (HF) b. Метод функционала плотности (DFT) c. Метод Parametrison 3 (PM3) d. Метод молекулярной механики	c. Метод Parametrison 3 (PM3)	ОПК-1, ИДОПК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4 УК-1, ИДУК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4, 1.5
9.	Квантово-химические расчёты проводят с использованием программы: a. Gaussian 03	a. Gaussian 03	ОПК-1, ИДОПК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4

	b. Microsoft Word c. Microsoft Excel d. WordPad		УК-1, ИДУК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4, 1.5
10.	Какой из приведенных методов расчёта относится к квантово-химическим: а. Полуэмпирический метод б. Метод молекулярного докинга в. Структурный метод д. Фрагментарный метод	а. Полуэмпирический метод	ОПК-1, ИДОПК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4 УК-1, ИДУК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4, 1.5
11.	Регрессионный анализ это – _____.	статистический метод оценки влияния одной или нескольких независимых переменных	ОПК-1, ИДОПК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4 УК-1, ИДУК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4, 1.5
12.	Множественный линейный регрессионный анализ это – _____.	метод установления зависимости одной переменной от двух или более независимых переменных	ОПК-1, ИДОПК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4 УК-1, ИДУК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4, 1.5
13.	Коэффициент корреляции (R) показывает – _____.	зависимость (корреляцию) двух переменных друг от друга	ОПК-1, ИДОПК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4 УК-1, ИДУК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4, 1.5
14.	Структурные дескрипторы, основанные на методах квантовой химии – _____.	Квантово химические	ОПК-1, ИДОПК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4 УК-1, ИДУК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4, 1.5
15.	Способ расчёта структурных дескрипторов БАС с использованием квантово-химических программ – _____.	Квантово-химический	ОПК-1, ИДОПК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4 УК-1, ИДУК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4, 1.5
16.	С помощью какого критерия проводят оценку моделей «структура-свойство» и «структура-активность» – _____.	Коэффициент корреляции (R)	ОПК-1, ИДОПК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4 УК-1, ИДУК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4, 1.5

17.	С использованием каких компьютерных программ можно проводить расчёт констант липофильности (logP) БАС – _____.	ChemOffice и ACD ChemSketch	ОПК-1, ИДОПК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4 УК-1, ИДУК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4, 1.5
18.	Молекулярнаястыковка (докинг) БАС – _____.	это метод молекулярного моделированиястыковки, который позволяет предсказать наиболее выгодную для образования устойчивого комплекса ориентацию и положение одной молекулы по отношению к другой	ОПК-1, ИДОПК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4 УК-1, ИДУК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4, 1.5
19.	Дайте определение понятию «активный центр» фермента – _____.	это место на его поверхности или активный участок, где происходит связывание и каталитическое превращение субстрата	ОПК-1, ИДОПК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4 УК-1, ИДУК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4, 1.5
20.	В основе молекулярного дизайна БАС лежит – _____.	дизайн БАС с определенным видом биологической активности	ОПК-1, ИДОПК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4 УК-1, ИДУК-1.1, 1.2, 1.3, 1.4, 1.5

Решение тестовых заданий оценивается в категориях «зачтено - не зачтено». Тест считается выполненным на оценку «зачтено» при правильном решении более 70 % тестовых заданий.

4.2.3. Критерии оценки сформированности компетенций в рамках промежуточной аттестации по дисциплине

Код компетенции	Показатель сформированности (индикатор достижения компетенции)	Структурные элементы оценочных средств	Критерии оценки сформированности компетенции	
			не сформирована	сформирована
ОПК-1	ИДОПК-1.1. Использует знания о строении вещества, природе химической связи для характеристики различ-	Тест	Дан правильный ответ менее чем 70% правильных ответов на тесто-	Дан правильный ответ более чем на 70% правильных

	<p>ных классов химических соединений и их свойств</p> <p>ИДОПК-1.2. Предлагает интерпретацию различных технологических процессов, основываясь на знании различных классов химических элементов, соединений, веществ и материалов</p> <p>ИДОПК-1.3. Анализирует и использует механизмы химических реакций для объяснения технологических процессов и процессов, происходящих в окружающем мире</p> <p>ИДОПК-1.4. Интерпретирует строение вещества на основании физико-химических принципов и закономерностей</p>	<p>ые задания. Допускает ошибки принципиального характера. Задания, на которые дан неправильный ответ, отражают как минимум один или более заявленных индикаторов компетенций</p>	<p>ответов на тестовые задания, в которых проверяются все заявленные индикаторы компетенций</p>
УК-1	<p>ИДУК-1.1. Анализирует задачу, выделяя ее базовые составляющие</p> <p>ИДУК-1.2. Определяет, интерпретирует и ранжирует информацию, требуемую для решения поставленной задачи</p> <p>ИДУК-1.3. Осуществляет поиск информации для решения, поставленной задачи по различным типам запросов</p> <p>ИДУК-1.4. При обработке информации отличает факты от мнений, интерпретаций, оценок, формирует собственные мнения и суждения, аргументирует свои выводы и точку зрения, в том числе с применением философского понятийного аппарата</p> <p>ИДУК-1.5. Рассматривает и предлагает возможные варианты решения поставленной задачи, оценивая их достоинства и недостатки</p>		

Компетенция считается сформированной на уровне требований к дисциплине в соответствии с образовательной программой, если по итогам применения оценочных средств или их отдельных

элементов результаты, демонстрируемые обучающимся, отвечают критерию сформированности компетенции.

5. Методические материалы по освоению дисциплины

Методические материалы для обучающихся на дисциплине Б1.О.29. «Молекулярный дизайн биологически активных соединений». Полный комплект методических материалов находится на кафедре фармацевтической химии.

6. Учебная литература для обучающихся по дисциплине

6.1. Основная литература.

1. Тюкавкина Н.А., Бауков Ю.И. Биоорганическая химия. Учебник для ВУЗов 4-е изд. - М.: Дрофа, 2005. - 544 с.

2. Грандберг И. И. Органическая химия: Учебник/ И. И. Грандберг. - 5-е изд., стереотип.. - М.: Дрофа, 2002. - 672 с.

6.2. Дополнительная литература.

1. Невоструев, Валерьян Антонович. Теоретические основы спектральных методов в химии: учеб. пособие / В.А.Невоструев.-2006. - 70 с.

2. Невоструев, Валериан Антонович. Теоретические основы спектральных методов в химии : учеб. пособие / В. А. Невоструев ; Кемеровский гос. ун-т, Кафедра аналитической химии .- Кемерово , 2006 .- 1 эл. гиб. диск : рис., табл.

3. Лущекина С.В., Варфоломеев С.Д., Балабаев Н.К. Методы компьютерного моделирования для исследования полимеров и биополимеров. Издательство: ЛИБРОКОМ, 2009. – 581с.

4. Хельтье Х.-Д., Зиппль В., Роньян Д., Фолькерс Г. Молекулярное моделирование: теория и практика / - М.: БИНОМ. Лаборатория знаний, 2010. – 318с.

5. Гаевый М.Д., Петров В.И., Гаевая Л.М. Фармакология: Учебник для вузов/ Под ред. проф. В.И.Петрова – М.: ИКЦ «МарТ», 2008. – 560 с.

6. Leach A.R. Molecular modeling: principles and applications. 2nd edition. 2001. Pearson Education Limited.

7. Seydel J.K., Wiese M. Drug-membrane interactions: analysis, drug distribution, modeling. 2002. Wiley-VCH Verlag GmbH & Co. KGaA.

8. Стыупер Э. Машинный анализ связи химической структуры и биологической активности. М.: Мир, 1986.

9. Раевский О.А. // Рос. хим. журн. 1995. № 39. С. 109–120.

10. Раевский О.А. // Успехи химии. 1999. Т. 68. № 6. С. 555–575.

11. Раевский О.А. // Успехи химии. 1988. Т. LVII. № 9. С. 1565–1585.

12. Раевский О.А., Авидон В.В., Новиков В.П. //Хим.-фарм. журнал. 1982. Т. 16. С. 968–971.

13. Раевский О.А., Новиков В.П. // Хим.-фарм. журнал. 1982. Т. 16. С. 583–586.

14. Набавич В.М., Дмитриков В.П. // Успехи химии. 1993. Т. 62. Вып. 1. С. 27–39.

15. Станкевич М.И., Станкевич И.В., Зефиров Н.С. // Успехи химии. 1988. Т. 57. Вып. 3. С. 337–365.

7. Материально-техническая база, информационные технологии, программное обеспечение и информационные справочные системы

Для проведения занятий используются специальные помещения: учебные аудитории для проведения занятий лекционного типа, занятий семинарского типа. Специальные помещения укомплектованы:

ваны специализированной мебелью и техническими средствами обучения, служащими для представления учебной информации большой аудитории.

В процессе освоения ОПОП используется оборудование:

- Компьютеры с операционной системой Windows XP и выше, имеющие выход в интернет, размер оперативной памяти компьютеров не менее 1000 МВ (мегабайт(1 гигабайт)).

- Проекционное оборудование.

- Динамики, микрофон.

Программное обеспечение

Компьютерные программы:

- Программа рисования химических структур ChemAxon (или аналог).

- Программы для выполнения регрессионного анализа и построения уравнений регрессии: MS Excel и Statistica.

- Программа для подготовки структур макромолекул к вычислительному эксперименту Build-Model, ChemAxon (или аналог).

- Программа для квантово-химических расчётов CambridgeSoft ChemOffice 2010 (или аналог).

- Программа для молекулярного докинга AutoDock (или аналог).

- Программа для визуального анализа результатов докинга VMD (или аналог).

Программы, разработанные на кафедре фармацевтической химии ФОО ПГФА:

- Программа для прогнозирования физико-химических дескрипторов и фармакокинетических параметров AK_QSAR ($\log P$ pK_a pK_b).

- Программы молекулярного докинга: AK_QSAR (Молекулярный докинг ЦОГ1 и 2) и AK_QSAR (Молекулярный докинг гидролаза E.Coli(S.Aureus)).

- Программы качественного и количественного прогноза биологической активности: AK_QSAR (противовоспалительная активность), AK_QSAR (Анальгетическая активность) и AK_QSAR (противомикробная активность).

АННОТАЦИЯ РАБОЧЕЙ ПРОГРАММЫ ДИСЦИПЛИНЫ

Б1.О.29. Молекулярный дизайн биологически активных соединений

Код и наименование направления подготовки, профиля: 18.03.01 Химическая технология. Химическая технология лекарственных средств.

Квалификация (степень) выпускника: Бакалавр

Форма обучения: Очная

Формируемая(ые) компетенция(и):

ОПК-1: Способен изучать, анализировать, использовать механизмы химических реакций, происходящих в технологических процессах и окружающем мире, основываясь на знаниях о строении вещества, природе химической связи и свойствах различных классов химических элементов, соединений, веществ и материалов.

ИДОПК-1.1: Использует знания о строении вещества, природе химической связи для характеристики различных классов химических соединений и их свойств.

ИДОПК-1.2: Предлагает интерпретацию различных технологических процессов, основываясь на знании различных классов химических элементов, соединений, веществ и материалов.

ИДОПК-1.3: Анализирует и использует механизмы химических реакций для объяснения технологических процессов и процессов, происходящих в окружающем мире.

ИДОПК-1.4: Интерпретирует строение вещества на основании физико-химических принципов и закономерностей.

УК-1: Способен осуществлять поиск, критический анализ и синтез информации, применять системный подход для решения поставленных задач.

ИДУК-1.1: Анализирует задачу, выделяя ее базовые составляющие.

ИДУК-1.2: Определяет, интерпретирует и ранжирует информацию, требуемую для решения поставленной задачи.

ИДУК-1.3: Осуществляет поиск информации для решения, поставленной задачи по различным типам запросов.

ИДУК-1.4: При обработке информации отличает факты от мнений, интерпретаций, оценок, формирует собственные мнения и суждения, аргументирует свои выводы и точку зрения, в том числе с применением философского понятийного аппарата.

ИДУК-1.5: Рассматривает и предлагает возможные варианты решения поставленной задачи, оценивая их достоинства и недостатки

Объем и место дисциплины в структуре ОПОП:

Дисциплина относится к обязательной части ОПОП, осваивается на 3 курсе, 6 семестре, в соответствии с учебным планом, общая трудоемкость дисциплины в зачетных единицах составляет 3 з. е. (108 ч.).

Содержание дисциплины:

Раздел 1. Основные направления молекулярного дизайна биологически активных соединений (БАС). Тема 1.1. Основные понятия и цели молекулярного дизайна БАС. Подходы к выбору кандидатов в соединения лидеры. Включает понятия и цели молекулярного дизайна БАВ, подходы к выбору кандидатов в соединения лидеры. Тема 1.2. Оценка биологической активности программой PASS online (виртуальный скрининг). Изучает оценку биологической активности БАС программой PASS online. Включает проведение виртуального скрининга программой PASS. Тема 1.3. Квантово-химические расчёты в моделировании молекул БАС. Включает в себя изучение типов компьютерных программ для квантово-химических расчётов и проведение квантово-химических расчётов в моделировании молекул БАС. Тема 1.4. Множественный регрессионный анализ в мо-

делировании структур БАС. Включает в себя изучение компьютерных программ для проведения множественного регрессионного анализа и использование множественного регрессионного анализа в моделировании структур БАС. Тема 1.5. Количественные соотношения «структура-свойство». Методы построения моделей и оценка. Изучаются методы построения количественных соотношений «структурно-свойство». Тема 1.6. Теоретический расчёт констант липофильности и ионизации с использованием компьютерных моделей и программ. Рассматривает компьютерные программы для расчёта констант липофильности и ионизации. Тема 1.7. Построение структур БАС с заданными свойствами. Правило Липински. В теме рассматривается построение структур БАС с заданными свойствами и правило Липински. Тема 1.8. Молекулярный докинг. Докинг «родного» лиганда по ЦОГ1 и 2 и гидролаза E.Coli(S.Aureus). Тема включает в себя молекулярный докинг, понятие и определение и использование для докинга «родного» лиганда по ЦОГ1 и 2 и гидролаза E.Coli(S.Aureus). Тема 1.9. Молекулярный докинг программой AK_QSAR (Молекулярный докинг ЦОГ1 и 2). Анализ результатов докинга. Изучается молекулярный докинг программой AK_QSAR (Молекулярный докинг ЦОГ1 и 2) и анализ результатов докинга. Тема 1.10. Молекулярный докинг программой AK_QSAR (Молекулярный докинг гидролаза E.Coli(S.Aureus)). Анализ результатов докинга. Рассматривает молекулярный докинг программой AK_QSAR (Молекулярный докинг гидролаза E.Coli(S.Aureus)) и анализ результатов докинга. Раздел 2. Практические аспекты молекулярного дизайна БАС. Тема 2.1. Модели качественного поиска БАС. Способы создания, оценка и валидация. В теме изучаются модели качественного поиска БАС, способы их создания, оценка и валидация. Тема 2.2. Поиск количественных соотношений структура-активность. Методы построения моделей, оценка и валидация. Тема изучает модели количественного поиска БАС, способы их создания, оценка и валидация. Тема 2.3. Способ поиска БАС методом молекулярного докинга (виртуальный скрининг). Рассматривается способ поиска БАС методом молекулярного докинга. Тема 2.4. Количественное прогнозирование биологической активности БАС с использованием уравнений множественной регрессии и компьютерных программ. Изучаются методы количественного прогнозирования биологической активности БАС.

Форма промежуточной аттестации: зачет.